

Helper T-cell Epitopes – RT

Location	Epitope Comments	Antigen	Species(HLA)	Reference
RT(36-52 BRU)	EICTEMEKEGKISKIGP 9 out of 17 humans can make strong IL2 responses to this epitope	HIV infection	human(?)	[De Groot (1991)]
RT(38-52 BRU)	CTEMEKEGKISKIGP	RT	murine(H-2 ^k)	[De Groot (1991)]
RT(48-62 BRU)	SKIGPENPYNTPVFA	RT	murine(H-2 ^k)	[De Groot (1991)]
RT(62-77 BRU)	AIKKKDSTKWRKLVDF	RT	murine(H-2 ^k)	[De Groot (1991)]
RT(88-102 BRU)	WEVQLGIPHAGLKK	RT	murine(H-2 ^{t4})	[De Groot (1991)]
RT(133-147 BRU)	PSINNETPGIRYQYN	RT	murine(H-2 ^{k, i5})	[De Groot (1991)]
RT(144-158 BRU)	YQQYNVLPPQGWKGSPA	RT	murine(H-2 ^{t4})	[De Groot (1991)]
RT(528-543 BRU)	KEKVYLAWVPAHKGIG	peptide	murine(H-2 ^{f,k,d})	[Haas (1991)]
RT(720-730 LAI)	IDKAQDEHEKY	HIV infection	human(?)	[Schrier (1989)]
RT(899-913 LAI)	NFKRKGGIGGYSAGE	HIV infection	human(?)	[Schrier (1989)]
RT(923-937 LAI)	IQTKELEQKQITKIQN	HIV infection	human(?)	[Schrier (1989)]
RT(942-954 LAI)	YRNSRNPLWKGPAA	HIV infection	human(?)	[Schrier (1989)]
				Stimulates T-cell proliferation in HIV-infected donors; boundaries may be imprecise, based only on numbering

II-44
NOV 95

HIV Helper T-cell Epitopes

Epitopes and protein variability:

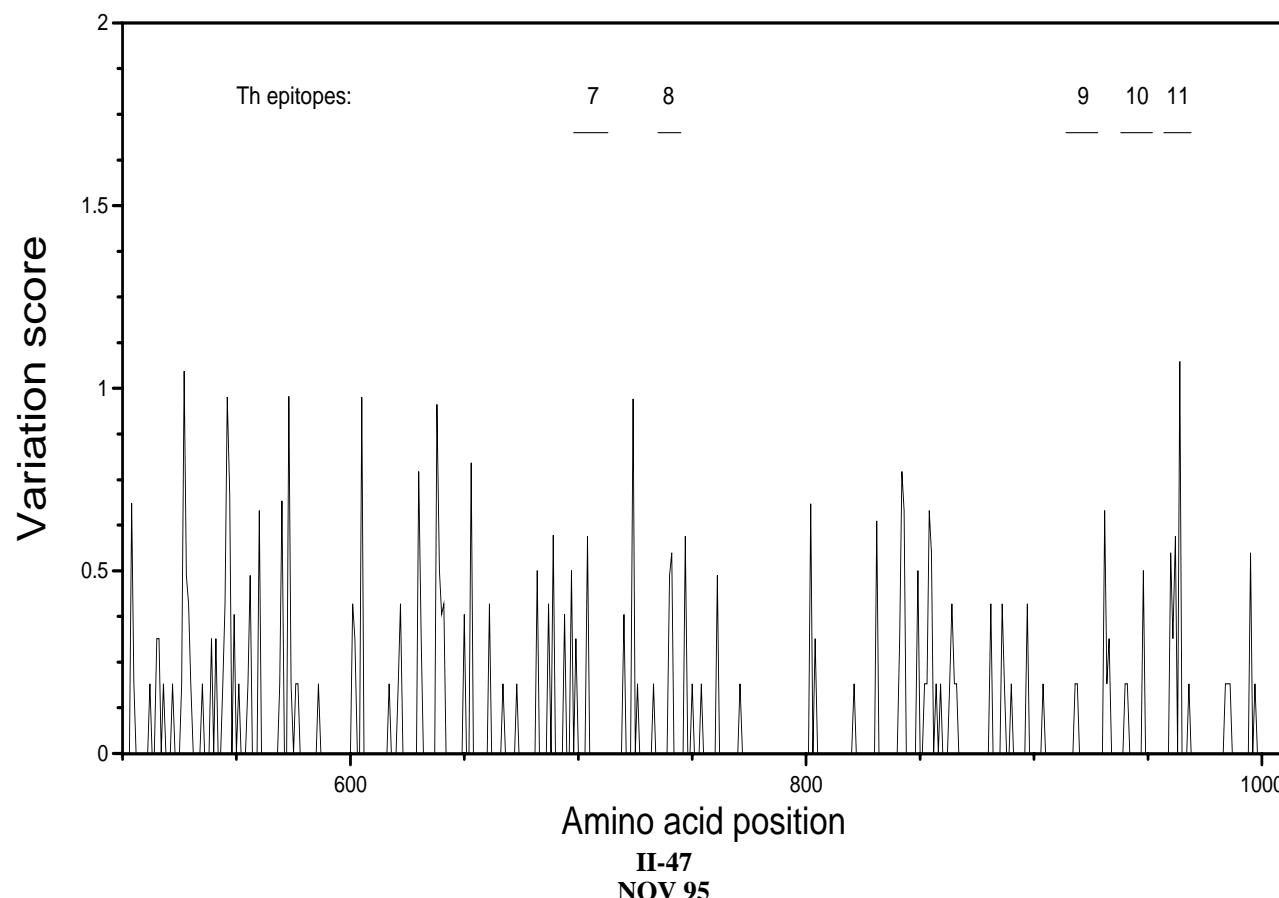
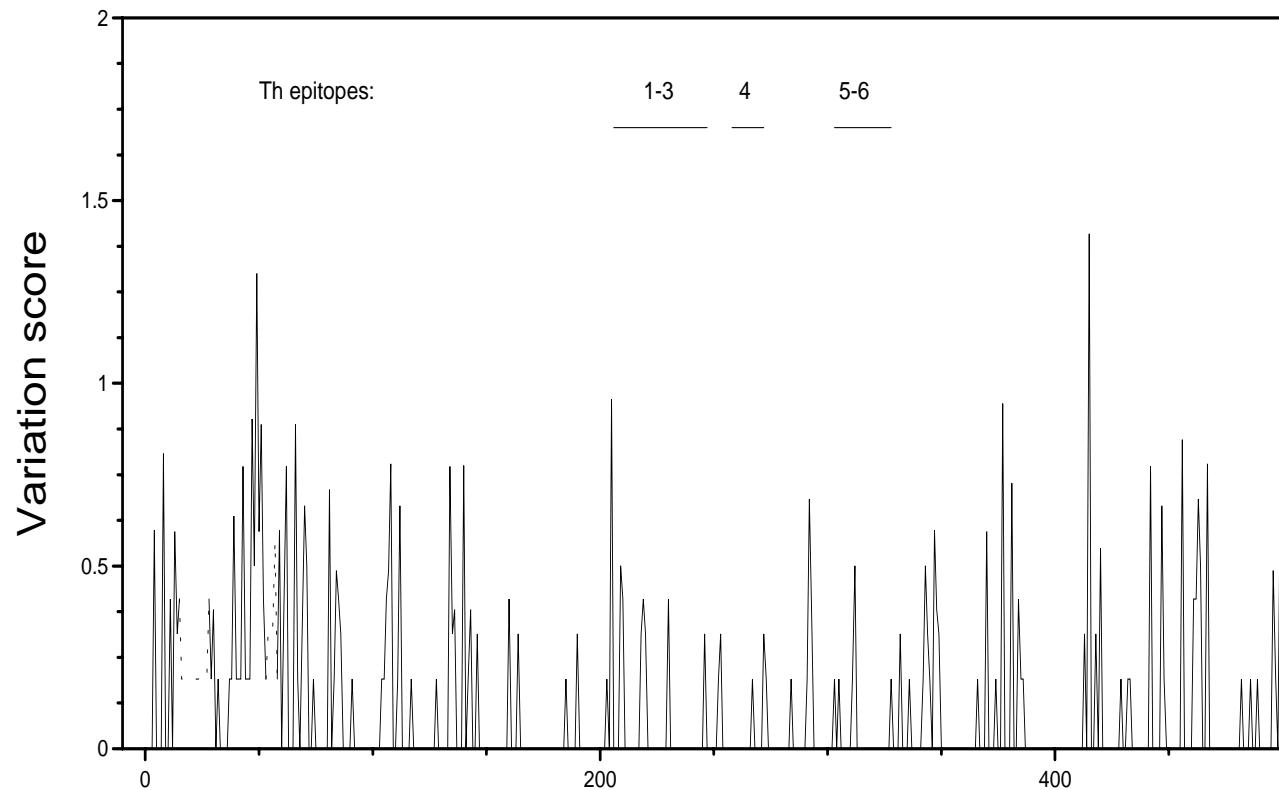
This plot shows a score that is a measure of variability for each position in the RT protein alignment, and the relative positions of regions with defined helper epitopes as seen on the helper epitope map. The solid lines are positions where the most common character in a gp41 protein alignment is an amino acid; the dashed lines represent regions where the most common character is an insertion (dash) incorporated to maintain the alignments. The alignment used corresponds to the 1995 gp41 protein alignment, publically available at the Human Retroviruses and AIDS database, totaling 21 sequences. See the "how to use the helper section" information for more details on the variability measure. The higher scores indicate more variation; 0 is perfectly conserved. The different protein alignments (gp120, gp41, p24, p15, p17, Nef and RT) used to create these plots contain different sets of sequences; therefore each plot is internally consistent, but cannot be compared to other protein plots.

Most common amino acid in each position in the RT protein is shown below. The numbering corresponds to the numbering in the variability plot for the RT protein.

RT CONSENSUS:

FFREDLAFPQGKAREF-----SSEQTRANSPTRRELQVWGRDN 50
NSLS---EAGADRQGTVSFSFPQITLWQRPLVTIKIGGQLKEALLDTGA 100
DDTVLEEMNLPGRWPKPMIGGIGGFIKVRQYDQILIEICGHKAIGTVLVG 150
PTPVNIIGRNLLTQIGhelperNFPISPIETVPVKLKPGMDGPKVKQWPLTEE 200
KIKALVEICTEMEKEGKISKIGPENPYNTPVFAIKKKDSTKWRKLVDRE 250
LNKRTQDFWEVQLGIPHPAGLKKKSVTVLVDGDAYFSVPLDKDFRKYTA 300
FTIPSINNETPGIRYQYNVLQPQGWKGSPAIFQSSMTKILEPFRKQNPDIV 350
IYQYMDDLYVGSDLEIGQHRTKIEELRQHLLRGFTTPDKHHQKEPPFLW 400
MGYELHPDKWTVQPIVLPEKDSWTVNNDIQKLVGKLNWASQIYAGIKVKQL 450
CKLLRGTKALTEVIPLTEEALELAENREILKEPVHGYYDPSKDLIAEI 500
QKQGQQWTYQIYQEPFKNLKTGKYARMRAHTNDVQLTEAVQKIATES 550
IVIWGKTPKFKLPIQKETWEAWWTEYWQATWIPEWEFVNTPPLVKLWYQL 600
EKEPIVGAETFYVDGAANRETKLGKAGYVTDRGRQKVVSLTDTTNQKTEL 650
QAIHLALQDSGLEVNIVTDSQYALGIQAAQPDKSESELVSQIIEQLIKKE 700
KVYLAWVPAHKGIGGNEQVDKLVSAGIRKVLFLDGIDKAQEEHEKYHSNW 750
RAMASDFNLPPVVAKEIVASCDKCQLGEAMHGQVDCSPGIWQLDCTHLE 800
GKVILVAHVVASGYIEAEVIPAETGQETAYFLLKLAGRWPVKTIHTDNGS 850
NFTSTTVKAACWAGIKQEFGIPYNPQSQGVVESMNKELKKIIGQVRDQA 900
EHLKTAQMAVFHNFKRKGGIGGYSAGERIVDIATDIQTKELQKQITK 950
IQNFRVYYRDSRDPLWKGPALKLWKGEGAVVIQDNSDIKVVPRRKAKIIR 1000

Variation in positions in the RT protein



HIV Helper T-cell Epitopes

RT Helper Epitope 1

CONSENSUS-B	CTEMEKEGKISKIGP
Epitope1	-----
CONSENSUS-A	-?-----
HIVU455	-N-----
HIVIBNG	-----
CONSENSUS-B	-----
HIVLAI	-----
HIVHXB2R	-----
HIVMN	-----
HIVJRCSF	-----
HIVJRLF	-----
HIVOYI	-----V--
HIVSF2	-----
HIVNY5CG	-----
HIVNL43	-----
HIVCAM1	-----
HIVHAN	-----
HIVD31	-----
HIVRF	-----
HIVYU2	-----
HIVBCSG3C	-----
HIVP896	-----
HIVLW123	-----
HIVMANC	-----
HIVRET7	-----
HIVVE1RT	--K-----
HIVVE2RT	--L-----
HIVVE3RT	-----
HIVVE4RT	--L-----
HIVVE5RT	-----
HIVVE6RT	-----
HIVVE7RT	-----
HIVVE8RT	-----
HIVHX330BC	-----
HIVHX660BC	-----
HIVHXB CRT	-----
HIVPD165BC	-----
HIVPD330BC	-----
HIVPD495BC	-----
HIVPD660BC	-----
HIVPDBC RT	-----
CONSENSUS-D	-----R---
HIVELI	--D-----R--
HIVZ2Z6	-----RV--
HIVNDK	-----R---
CONSENSUS-O	-Q---Q----R---
HIVANT70	-Q---Q----R--
HIVMVP5180	-Q---Q----R--
HIVMAL	-KD-----L---
SIVCPZGAB	-Q-----

RT Helper Epitope 2

CONSENSUS-B	SKIGPENPYNTPVFA
Epitope2	-----
CONSENSUS-A	-----
HIVU455	-----
HIVIBNG	-----
CONSENSUS-B	-----
HIVLAI	-----
HIVHXB2R	-----
HIVMN	-----
HIVJRCSF	-----
HIVJRLF	-----
HIVOYI	-----V--
HIVSF2	-----
HIVNY5CG	-----
HIVNL43	-----
HIVCAM1	-----
HIVHAN	-----
HIVD31	-----
HIVRF	-----
HIVYU2	-----
HIVBCSG3C	-----
HIVP896	-----
HIVLW123	-----
HIVMANC	-----
HIVRET7	-----
HIVVE1RT	-----I--
HIVVE2RT	-----
HIVVE3RT	-----
HIVVE4RT	-----
HIVVE5RT	-----
HIVVE6RT	-----
HIVVE7RT	-----
HIVVE8RT	-----
HIVHX330BC	-----
HIVHX660BC	-----
HIVHXB CRT	-----
HIVPD165BC	-----
HIVPD330BC	-----
HIVPD495BC	-----
HIVPD660BC	-----
HIVPDBC RT	-----
CONSENSUS-D	-R-----I--
HIVELI	-R-----I--
HIVZ2Z6	-RV-----I--
HIVNDK	-R-----I--
CONSENSUS-O	-R-----I--
HIVANT70	-R-----I--
HIVMVP5180	-R-----I--
HIVMAL	L-----
SIVCPZGAB	-----I--

RT Helper Epitope 3

CONSENSUS-B	AIKKKDSTKWRKLVDF
Epitope3	-----
CONSENSUS-A	-----
HIVU455	-----
HIVIBNG	-----
CONSENSUS-B	-----
HIVLAI	-----
HIVHXB2R	-----
HIVMN	-----
HIVJRCSF	-----
HIVJRFL	-----
HIVOYI	-----
HIVSF2	-----
HIVNY5CG	-----
HIVNL43	-----
HIVCAM1	-----
HIVHAN	-----
HIVD31	-----
HIVRF	-----
HIVYU2	-----
HIVBCSG3C	-----
HIVP896	-----
HIVLW123	-----
HIVMANC	-----
HIVRET7	-----
HIVVE1RT	-----
HIVVE2RT	-----
HIVVE3RT	-----
HIVVE4RT	-----
HIVVE5RT	-----
HIVVE6RT	-----
HIVVE7RT	-----
HIVVE8RT	-----
HIVHX330BC	-----
HIVHX660BC	-----
HIVHXBCRT	-----
HIVPD165BC	-----
HIVPD330BC	-----
HIVPD495BC	-----
HIVPD660BC	-----
HIVPDBCRT	-----
CONSENSUS-D	-----
HIVELI	-----
HIVZZ6	-----
HIVNDK	-----
CONSENSUS-O	-----
HIVANT70	-G-----
HIVMVP5180	-----
HIVMAL	-N-
SIVCPZGAB	-----

RT Helper Epitope 4

CONSENSUS-B	WEVQLGIPHPAGLKK
Epitope4	-----
CONSENSUS-A	-----?-----
HIVU455	-----T-----
HIVIBNG	-----
CONSENSUS-B	-----
HIVLAI	-----
HIVHXB2R	-----
HIVMN	-----
HIVJRCSF	-----
HIVJRFL	-----
HIVOYI	-----
HIVSF2	-----
HIVNY5CG	-----Q
HIVNL43	-----Q
HIVCAM1	-----
HIVHAN	-----
HIVD31	-----
HIVRF	-----
HIVYU2	-----
HIVBCSG3C	-----
HIVP896	-----
HIVLW123	-----
HIVMANC	-----
HIVRET7	S-----
HIVVE1RT	-----V--
HIVVE2RT	-----
HIVVE3RT	-----
HIVVE4RT	-----
HIVVE5RT	-----
HIVVE6RT	-----
HIVVE7RT	-----
HIVVE8RT	-----
HIVHX330BC	-----
HIVHX660BC	-----
HIVHXBCRT	-----
HIVPD165BC	-I-----
HIVPD330BC	-K-----
HIVPD495BC	-K-----
HIVPD660BC	-K-----
HIVPDBCRT	-----
CONSENSUS-D	-----
HIVELI	-----
HIVZZ6	-----
HIVNDK	-----
CONSENSUS-O	-----G---Q
HIVANT70	-----G---Q
HIVMVP5180	-----G---Q
HIVMAL	-----
SIVCPZGAB	-----

HIV Helper T-cell Epitopes

RT Helper Epitope 5

CONSENSUS-B PSINNETPGIRYQYN
Epitope5 -----

CONSENSUS-A --?-----?
HIVU455 -----V
HIVIBNG ---V-----

CONSENSUS-B -----
HIVLAI -----
HIVHB2R -----
HIVMN -----
HIVJRCSF -----
HIVJRLF -----
HIVOYI -----
HIVSF2 -----
HIVNY5CG -----
HIVNL43 -----
HIVCAM1 --T-----
HIVHAN -----
HIVD31 -----V-----
HIVRF -----R-----
HIVYU2 -----T-----
HIVBCSG3C -----
HIVP896 -----
HIVLW123 -----
HIVMANC -----A--V-----
HIVRET7 --T-----
HIVVE1RT --V-----
HIVVE2RT --V-----
HIVVE3RT -----
HIVVE4RT --T-----
HIVVE5RT -----
HIVVE6RT -----V-----
HIVVE7RT -----
HIVVE8RT --T-----
HIVHX330BC -----
HIVHX660BC -----
HIVHXB CRT -----
HIVPD165BC -----
HIVPD330BC -----
HIVPD495BC -----
HIVPD660BC -----
HIVPDBC RT -----

CONSENSUS-D -----
HIVELI S-----
HIVZ2Z6 -----
HIVNDK -----

CONSENSUS-O --V-----
HIVANT70 --V-----
HIVMVP5180 --V---V-----
HIVMAL -----

SIVCPZGAB -----V-----

RT Helper Epitope 6

CONSENSUS-B YQYNVLPOGWKGSPA
Epitope6 -----

CONSENSUS-A -----?-----
HIVU455 -----S
HIVIBNG -----

CONSENSUS-B -----
HIVLAI -----
HIVHB2R -----
HIVMN -----
HIVJRCSF -----
HIVJRLF -----
HIVOYI -----
HIVSF2 -----
HIVNY5CG -----
HIVNL43 -----
HIVCAM1 -----
HIVHAN -----
HIVD31 -----
HIVRF -----
HIVYU2 -----
HIVBCSG3C -----
HIVP896 -----
HIVLW123 -----
HIVMANC -----A--V-----
HIVRET7 -----
HIVVE1RT -----
HIVVE2RT -----
HIVVE3RT -----
HIVVE4RT -----
HIVVE5RT -----
HIVVE6RT -----
HIVVE7RT -----
HIVVE8RT -----
HIVHX330BC -----A--
HIVHX660BC -----A--
HIVHXB CRT -----
HIVPD165BC -----
HIVPD330BC -----
HIVPD495BC -----
HIVPD660BC -----
HIVPDBC RT -----

CONSENSUS-D -----
HIVELI -----
HIVZ2Z6 -----
HIVNDK -----

CONSENSUS-O -----
HIVANT70 -----
HIVMVP5180 -----
HIVMAL -----

SIVCPZGAB -----S

RT Helper Epitope 7

CONSENSUS-B KEKVLAWVPAHKGIG
Epitope7 -----

CONSENSUS-A -?----S-----
HIVU455 -----S-----
HIVIBNG -D---S-----

CONSENSUS-B -----
HIVLAI -----
HIVHXB2R -----
HIVMN -----
HIVJRCSF -----
HIVJRLF -----
HIVOYI -----
HIVSF2 -----
HIVNY5CG -----
HIVNL43 -----
HIVCAM1 -----
HIVHAN -----
HIVD31 ----T-----
HIVRF -----
HIVYU2 -----
HIVBCSG3C -----
HIVP896 -----
HIVLW123 -----
HIVMANC -----
HIVVE1RT -----
HIVVE2RT -----
HIVVE3RT -----
HIVVE4RT -----
HIVVE5RT -----
HIVVE6RT -----
HIVVE7RT -----
HIVVE8RT -----
HIVHX330BC -----
HIVHX660BC -----
HIVHXBCRT -----
HIVPD165BC -----
HIVPD330BC -----
HIVPD495BC -----
HIVPD660BC -----
HIVPDBCRT -----

CONSENSUS-D -----
HIVELI -----
HIVZZ6 -----
HIVNDK -----

CONSENSUS-O --?---T-----
HIVANT70 --Q---T-----
HIVMVP5180 --R---T-----
HIVMAL --D---S-----

SIVCPZGAB ---I--S-----

RT Helper Epitope 8

CONSENSUS-B IDKAQEEHEKY
Epitope8 -----D-----

CONSENSUS-A -----?--?-
HIVU455 -----D----
HIVIBNG -----R-

CONSENSUS-B -----
HIVLAI -----D-----
HIVHXB2R -----D-----
HIVMN -----D-----
HIVJRCSF -----D----
HIVJRLF -----D----
HIVOYI -----
HIVSF2 -----
HIVNY5CG -----
HIVNL43 -----
HIVCAM1 -----
HIVHAN -----D----
HIVD31 -----D----
HIVRF -----D----
HIVYU2 -----
HIVBCSG3C -----
HIVP896 -----
HIVLW123 -----D----
HIVMANC -----

CONSENSUS-D -----
HIVELI -----
HIVZZ6 -----
HIVNDK -----

CONSENSUS-O --Q---D----
HIVANT70 --Q---D----
HIVMVP5180 --Q---D----
HIVMAL -----
SIVCPZGAB --R-----R-

HIV Helper T-cell Epitopes

RT Helper Epitope 9

CONSENSUS-B	NFKRKGGIGGYSAGE
Epitope9	-----
CONSENSUS-A	-----
HIVU455	-----
HIVIBNG	-----
CONSENSUS-B	-----
HIVLAI	-----
HIVHXB2R	-----
HIVMN	-----
HIVJRCSF	-----
HIVJRFL	-----
HIVOYI	-----
HIVSF2	-----
HIVNY5CG	-----
HIVNL43	-----
HIVCAM1	-----
HIVHAN	-----
HIVD31	-----
HIVRF	-----
HIVYU2	-----
HIVBCSG3C	-----
HIVP896	-----
HIVLW123	-----
HIVMANC	-----G
CONSENSUS-D	-----
HIVELI	---RR---
HIVZ2Z6	-----
HIVNDK	-----
CONSENSUS-O	-----T---
HIVANT70	-----T--
HIVMVP5180	-----T--
HIVMAL	-----
SIVCPZGAB	-----T---

RT Helper Epitope 10

CONSENSUS-B	IQTKELOQOITKION
Epitope10	-----
CONSENSUS-A	-----?---
HIVU455	-----S---
HIVIBNG	-----I---
CONSENSUS-B	-----
HIVLAI	-----
HIVHXB2R	-----
HIVMN	-----
HIVJRCSF	-----
HIVJRFL	-----
HIVOYI	-----
HIVSF2	-----
HIVNY5CG	--I-----
HIVNL43	-----
HIVCAM1	-----
HIVHAN	-----
HIVD31	-----
HIVRF	-----
HIVYU2	-----
HIVBCSG3C	-----
HIVP896	-----
HIVLW123	-----
HIVMANC	-----
CONSENSUS-D	-----I---
HIVELI	-----I---
HIVZ2Z6	-----
HIVNDK	---R----I---
CONSENSUS-O	---T-----L-
HIVANT70	---T-----L-
HIVMVP5180	---T-----L--N-
HIVMAL	-----
SIVCPZGAB	---S-----L-V-K

RT Helper Epitope 11

CONSENSUS-B	YRDSRDPLWK GPA
Epitope11	--N--N-----
 CONSENSUS-A	-----I-----
HIVU455	-----I-----
HIVIBNG	-----I-----
 CONSENSUS-B	-----
HIVLAI	-----
HIVHXB2R	----N-----
HIVMN	-----
HIVJRCSF	---N---I-----
HIVJRFL	----E-----
HIVOYI	----E-----
HIVSF2	---NK-----
HIVNY5CG	-----V-----
HIVNL43	-----V-----
HIVCAM1	-----
HIVHAN	-----E-F-----
HIVD31	-----
HIVRF	-----H-
HIVYU2	-----
HIVBCSG3C	---NK-----
HIVP896	-----
HIVLW123	----N-----
HIVMANC	----N-----
 CONSENSUS-D	-----I-----
HIVELI	-----I-----
HIVZ2Z6	-----I-----
HIVNDK	-----I-----
 CONSENSUS-O	---?---I-----
HIVMVP5180	-----I-----
HIVMAL	---N---I-----
 SIVCPZGAB	-----I-----